

1/2

FIG 1. Amino acid sequence of arginine deiminase (ADI) from wild-type *Mycoplasma hominis*

M. hominis ADI	MSVFDSSKFNCGIHVVSEIGELETVLVHEPGREIDYITPARLDELLFSALESHDARKEHQ\$	60
M. hominis ADI	FVKIMKDRGINVVELTDLVAETYDLASKAAKEEFIELTFLEETFVPLTEANKKAVRAFLLS	120
M. hominis ADI	KPTHEMVEFMMSGITKYELGVSENEVIVDPMPPNLYFTRDPFASVGNGVTIHFMRYIVRR	180
M. hominis ADI	RETLFARFVFRNHPKLVKTPWYYDPAMKMPIEGGDVFIFYNNNETLVVGVSERTDLDITLL	240
M. hominis ADI	AKNIKANKEVEFKRIVAINVPKWTNLMHLDTWTMLDKNKFLYSPIANDVFKFWDYDLVN	300
M. hominis ADI	GGAEPPQPQLNGLPLDKLLASINKEPVLIPIGGAGATEMEARETNFDGTONYLAIKPGLV	360
M. hominis ADI	IGYDRNEKTNAALKAAAGITVLPFHGNQLSLGMCGNARCMISMPLSRKDVKW	409

2/2

FIG 2. Amino acid sequence of modified arginine deiminase (ADI E112, S210) from *Mycoplasma hominis*

ADI E112, S210	MSVFDSKFGNIGHVYSEIGELETVLVHEPGREIDYITPARLDELLFSAILESHDARKEHQ S	60
ADI E112, S210	FVKIMKDRGINVVELTDIWAETYDLASKAAKEEFFIETFLEETVPLTEANKEAVRAFLS	120
ADI E112, S210	KPTHEMVEFMMMSGITKYELGVESENELIVDPMMPNLYFTRDPFAASVGNGVTIHFMRYIVRR	180
ADI E112, S210	RETLFARFVFRNHPKLVKTPWYYDPAMKMSIEGDDVFIYNNETLVVGVSERTDLDTTLL	240
ADI E112, S210	AKNIKANKEVEFKRIVAINVPKWTNLMLHLDTWLTMKDKNKFLYSPIANDVFKFWDYDLVN	300
ADI E112, S210	GGAEPQPQQLPDKLILASUNKEPVLIPIGGAGATEMEIARETNF DGTNYLAIKPGLV	360
ADI E112, S210	IGYDRNEKTNAALKAAAGITVLPFHGNQLSLGMGNARCMMSMPLSRKDVKW	409